E.coli 残留 DNA 检测试剂盒 (PCR-荧光探针法) 说明书

货号: SK030202E100

版本: B/2

仅供研究用

湖州申科生物技术股份有限公司

■ 试剂盒简介

SHENTEK® E.coli 残留 DNA 检测试剂盒是用于定量检测各种生物制品的中间品、半成品和成品中 E.coli 宿主细胞 DNA 的专用试剂盒。本试剂盒利用荧光探针原理,定量检测样品中 E.coli 残留 DNA。检测快速,专一性强,性能可靠,最低检测限可以达到 fg 水平。

试剂盒配套有 E.coli DNA 定量参考品,已溯源至国家标准品。本试剂盒与宿主细胞 残留 DNA 样本前处理试剂盒配套使用,可准确定量样品中 E.coli 残留 DNA。

■ 试剂盒组分

组分 产品号 装量 储存条件 E.coli DNA 定量参考品 NNA002 50 μL×1 管 -18℃及以下 E.coli qPCR MIX NNC002 1 mL×2 管 -18℃及以下,避光 DNA 稀释液 NND001 1.5 mL×3 管 -18℃及以下

表 1.试剂盒组分

■ 规格

100 Reactions.

■ 有效期

规定储存条件下24个月,具体详见试剂盒标签。

■ 适用机型(包括但不限于)

- ▶SHENTEK-96S 实时荧光 PCR 检测系统
- ➤7500 Real-Time PCR System
- ▶CFX96 定量 PCR 系统
- ▶Linegene 9600plus 定量 PCR 系统
- ▶Mx3000PTM 定量 PCR 系统
- ▶qTOWER3G 定量 PCR 系统

■ 实验所需但试剂盒中未含材料

- ▶1.5 mL 无菌离心管
- ▶96 孔 qPCR 板
- ▶1000 μL, 100 μL, 10 μL 无菌低吸附带滤芯枪头

■ 相关设备

- ▶ 荧光定量 PCR 仪
- ▶1000 μL, 100 μL, 10 μL 移液枪

■ 操作过程

❖E.coli DNA 定量参考品的稀释和标准曲线的制备

E.coli DNA 定量参考品的浓度标注于管壁标签,请确认后再进行稀释。

用试剂盒中提供的 DNA 稀释液将 E.coli DNA 定量参考品进行梯度稀释,稀释浓度 依次为 3 ng/ μ L、300 pg/ μ L、30 pg/ μ L、30 pg/ μ L、30 pg/ μ L、30 pg/ μ L。具体操作如下:

- 1. 将试剂盒中的 E.coli DNA 定量参考品和 DNA 稀释液置于冰上或 2-8℃条件下融化, 待完全融化后, 轻弹数下混匀, 短时间快速离心 3~5 s, 如此重复 3 次。
 - 2. 取 6 支干净的 1.5 mL 离心管,分别标记为 ST0, ST1, ST2, ST3, ST4, ST5。
- 3. 在 ST0 管中用 DNA 稀释液将 DNA 定量参考品稀释至 3 ng/μL,振荡混匀后短时间快速离心 3~5 s,重复 3 次以确保定量参考品与 DNA 稀释液充分混匀。
 - 4. 在 ST1, ST2, ST3, ST4, ST5 管中分别加入 90 μL DNA 稀释液。
 - 5. 按表 2 依次进行 5 次稀释操作。

稀释管 稀释体积 浓度 ST1 10 μL ST0+90 μL DNA 稀释液 $300 \text{ pg/}\mu\text{L}$ ST2 10 μL ST1+90 μL DNA 稀释液 $30 \text{ pg/}\mu\text{L}$ ST3 10 μL ST2+90 μL DNA 稀释液 $3 pg/\mu L$ ST4 10 μL ST3+90 μL DNA 稀释液 $300 \text{ fg/}\mu\text{L}$ ST5 10 μL ST4+90 μL DNA 稀释液 $30 \text{ fg/}\mu\text{L}$

表 2.E.coli DNA 定量参考品的稀释

- **↓** 已融化未使用的 DNA 稀释液可保存于 2-8℃。
- ¥ 若 DNA 稀释液中有析出,建议于 37℃条件下进行孵育。
- → 标准曲线浓度点可根据实际验证结果选择,应至少有5个浓度点。

❖加样回收质控 ERC 的制备

根据需要设置 ERC 中的 E.coli DNA 加样浓度(以制备加 30 pg E.coli DNA 量的样品 ERC 为例),具体操作如下:

1. 取 100 μL 待测样品加入 1.5 mL 干净的离心管中。

- 2. 再加入 10 μL ST3, 混匀, 标记为样品 ERC。
- ♣ 样品 ERC 和同批待测样品一起进行样品前处理,制备成样品 ERC 纯化液。

❖ 阴性质控 NCS 的制备

根据实验设置阴性质控,具体操作如下:

- 1. 取 100 μL DNA 稀释液加入 1.5 mL 干净的离心管中,标记为阴性质控 NCS。
- → 阴性质控 NCS 和同批待测样品一起进行样品前处理,制备成阴性质控 NCS 纯化液。

❖ qPCR 反应液的制备和加样

1. 根据所要检测的标准曲线及待测样品数量,计算所需反应孔数,一般做3个重复孔/样。

反应孔数=(5个浓度梯度的标准曲线+1个无模板对照 NTC+1个阴性质控 NCS+ 待测样品×2)×3

- ♣ 待测样品×2 是因为我们推荐每个待测样品检测时都应同时做样品 ERC。
- 2. 根据反应孔数计算本次所需的 E.coli qPCR MIX 总量:

E.coli qPCR MIX = (反应孔数+2) × 20 μL (含有 2 孔的损失量)

3. 各试剂置于冰上融化,轻微振荡混匀,按表3所示加样:

表 3.各反应孔加样示例

标准曲线	20 μL qPCR MIX + 10 μL ST1/ST2/ST3/ST4/ST5
无模板对照 NTC	20 μL qPCR MIX + 10 μL DNA 稀释液
阴性质控 NCS	20 μL qPCR MIX + 10 μL 阴性质控 NCS 纯化液
待测样品	20 μL qPCR MIX + 10 μL 待测样品纯化液
样品 ERC	20 μL qPCR MIX + 10 μL 样品 ERC 纯化液

↓ 加样完成后每孔总体积为 30 μL。

NTC		S1	S1	S1	S1 ERC	S1 ERC	S1 ERC					A
NTC		S2	S2	S2	S2 ERC	S2 ERC	S2 ERC		ST5	ST5	ST5	В
NTC		S3	S3	S3	S3 ERC	S3	S3 ERC		ST4	ST4	ST4	С
		S4	S4	S4	S4 ERC	S4	S4 ERC		ST3	ST3	ST3	D
NCS		S5	S5	S5	S5	S5	S5 ERC		ST2	ST2	ST2	Е
NCS					<u> </u>	Lite	Lite		ST1	ST1	ST1	F
NCS												G
												Н
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	

表 4.96 孔板排版示例

♣ 该示例表示的是检测 5 个浓度梯度的 E.coli DNA 标准曲线(ST1~ST5)、1 个无模板对照 NTC、1 个阴性质控 NCS、5 个待测样品(S1~S5)和每个样品的 ERC(S1 ERC~S5 ERC)。每个检测做 3 个重复孔。

- → 实际检测时可根据样品多少,参照此示例进行96孔板排版加样。
- 4. 将 96 孔板用光学膜封闭,轻微震荡混匀,短时间快速离心 10 s 后放入 qPCR 仪。

❖ qPCR 结果分析

- ◆ SHENTEK-96S 实时荧光 PCR 检测系统、软件版本 8.2.2 为例。
- 1. 点击"实验向导"。
- 2. "孔板编辑"页面中选择步骤 1: 选择反应孔。
- 3. 选择步骤 2: 选择项目中的"E.coli 残留 DNA"程序。
- 4. "实验运行"页面中点击"开始"运行程序。
- ◆ 其他定量 PCR 系统程序设置如下:
- 1. 创建空白新程序,选择绝对定量检测模板。
- 2. 创建新检测探针,命名为 E.coli-DNA,选择报告荧光基团为 FAM,猝灭荧光基团为 none,检测参比荧光为 ROX(可选)。
- 3. 设置两步法反应程序: 95℃**预变性 10 min**; 95℃ 15 s, 60℃ 1 min (读取荧光), 40 个循环; 反应体积 30 μL。

❖ qPCR 结果分析

◆ 以 SHENTEK-96S 实时荧光 PCR 检测系统、软件版本 8.2.2 为例。

1. "孔板编辑"页面中步骤 3: 定义反应孔,将标准曲线孔的选择样品类型设置为标准品,并在标品赋值中分别根据表 2 赋值,例如"E.coli 残留 DNA"设为 300、30、3、0.3、0.03,并且在相应的"样本名称"中命名为 ST1、ST2、ST3、ST4、ST5。

- 2. 待测样品将样品类型设置为待测样品,NTC将样品类型设置为无模板对照。
- 3. 在"实验分析"页面点击 可读取标准曲线的斜率、截距、相关系数、扩增效率。
- 4. 在"反应孔信息表中"可读取无模板对照 NTC、阴性质控 NCS、待测样品的检测值,单位为 pg/μL。
 - ◆ 以 7500 Real-Time PCR System、软件版本 1.4 为例。
- 1. 在 Results 的 Amplification Plot 面板中,将 Threshold 设置为 0.02,点击 Analyze,此时可初步查看扩增曲线的形态是否正常。
- 2. 在 Results 的 Plate 面板中,将标准曲线孔的 Task 一栏设置为 Standard,并且在 Quantity 一栏分别赋值为 3000、300、30、3、0.3(含义为每孔的 DNA 总量,单位为 pg),并且在相应的 sample name 一栏中命名为 ST1、ST2、ST3、ST4、ST5。
- 3. 在 Results 的 Plate 面板中,将无模板对照 NTC 孔的 Task 一栏设置为 NTC,将阴性质控 NCS 孔、待测样品孔、样品 ERC 孔的 Task 一栏设置为 Unknow,并且在相应的 sample name 一栏中命名为 NTC、NCS、S、ERC,之后点击▶。
- 4. 在 Results 的 Standard Curve 面板中,可读取标准曲线的斜率(Slope)、截距(Intercept)、R²。
- 5. 在 Results 的 Report 面板中, Mean Quantity 一栏可读取无模板对照 NTC、阴性质控 NCS、待测样品、样品 ERC 的检测值,单位为 pg/10 μL。后续可在检测报告中将单位换算为 pg/μL 或 pg/mL。
- 6. 根据待测样品和样品 ERC 的检测结果计算加样回收率,加样回收率要求在 50%~150%之间。
 - 7. 阴性质控 NCS 的 Ct 值应大于标曲最低浓度 Ct 均值。
- 8. 无模板对照 NTC 的检测结果应为 Undetermined 或 Ct 值≥35.00, 或根据实验室自身验证结果设定具体标准。
- → 上述示例结果分析的参数设置仅供参考,具体需依据实验室机型及使用的软件版本进行设定,一般也可由仪器自动判读。

修订日期: 2023 年 01 月 16 日

服务支持



湖州申科生物技术股份有限公司

www.shenkebio.com

地址: 浙江省湖州市红丰路 1366 号 6 号楼

Email: Info@shenkebio.com

电话: 0572-2165910