

PG13 残留 DNA 片段分析检测试剂盒

（PCR-荧光探针法）

说明书

货号：1103178

版本：A/0

仅供研究用

湖州申科生物技术股份有限公司

■ 试剂盒简介

SHENTEK® PG13 残留 DNA 片段分析检测试剂盒是用于定量分析检测各种生物制品的中间品、半成品和成品中 PG13 宿主细胞 DNA 残留片段大小分布的专用试剂盒。

本试剂盒利用 PCR 荧光探针法原理，设计了三种不同的扩增片段（118 bp、212 bp、502 bp）来定量检测分析样品中 PG13 残留 DNA 片段的大小分布情况。检测快速，专一性强，性能可靠，最低检测限可以达到 fg 水平。试剂盒配套有 PG13 DNA 定量参考品。本试剂盒与 SHENTEK®宿主细胞残留 DNA 样本前处理试剂盒配套使用。

■ 试剂盒组分

表 1.试剂盒组分

组分	产品号	装量	储存条件
PG13 DNA 定量参考品	NNA049	50 µL × 1 管	-18 °C及以下
PG13 Primer & Probe MIX-118	NNC083	300 µL × 1 管	-18 °C及以下，避光
PG13 Primer & Probe MIX-212	NNC084	300 µL × 1 管	-18 °C及以下，避光
PG13 Primer & Probe MIX-502	NNC085	300 µL × 1 管	-18 °C及以下，避光
IPC MIX	NNC070	550 µL × 1 管	-18 °C及以下，避光
qPCR Reaction Buffer	NNB001	850 µL × 6 管	-18 °C及以下，避光
DNA 稀释液	NND001	1.5 mL × 3 管	-18 °C及以下

■ 规格

3 × 100 Reactions。

■ 有效期

规定储存条件下 24 个月，具体详见试剂盒标签。

■ 适用机型（包括但不限于）

- SHENTEK-96S 实时荧光 PCR 检测系统
- 7500 Real-Time PCR System
- LightCycler 480 II

■ 实验所需但试剂盒中未含材料

- 1.5 mL 无菌离心管
- PCR 八联管或 96 孔 qPCR 板
- 1000 µL，100 µL，10 µL 无菌低吸附带滤芯枪头

■ 相关设备

- 荧光定量 PCR 仪

➤ 1000 μL, 100 μL, 10 μL 移液枪

■ 操作过程

❖ PG13 DNA 定量参考品的稀释和标准曲线的制备

 片段分析试剂盒中含有三种不同长度的扩增片段，在建立标曲时，需分别对不同的扩增片段设置标曲，并根据对应扩增片段的标曲来计算其残留量和分布相对量。

PG13 DNA 定量参考品浓度标注于管壁标签上，请确认浓度后再进行稀释。

用试剂盒中提供的 DNA 稀释液将 PG13 DNA 定量参考品进行梯度稀释，稀释浓度依次为 3 ng/μL、300 pg/μL、30 pg/μL、3 pg/μL、300 fg/μL，30 fg/μL。具体操作如下：

1. 将试剂盒中的 PG13 DNA 定量参考品和 DNA 稀释液置于冰上或 2-8 °C 条件下融化。待完全融化后，轻弹数下混匀，短时间快速离心 3-5 s，如此重复 3 次。
2. 取 6 支干净的 1.5 mL 离心管，分别标记为 ST0，ST1，ST2，ST3，ST4，ST5。
3. 在 ST0 管中用 DNA 稀释液将 PG13 DNA 定量参考品稀释至 3 ng/μL，振荡混匀后短时间快速离心 3-5 s，重复 3 次以确保定量参考品与 DNA 稀释液充分混匀。
4. 在 ST1，ST2，ST3，ST4，ST5 管中分别加入 180 μL DNA 稀释液。
5. 按表 2 依次进行 5 次稀释操作。

表 2. PG13 DNA 定量参考品的稀释

稀释管	稀释体积	浓度
ST1	20 μL ST0+180 μL DNA 稀释液	300 pg/μL
ST2	20 μL ST1+180 μL DNA 稀释液	30 pg/μL
ST3	20 μL ST2+180 μL DNA 稀释液	3 pg/μL
ST4	20 μL ST3+180 μL DNA 稀释液	300 fg/μL
ST5	20 μL ST4+180 μL DNA 稀释液	30 fg/μL

-  已融化未使用的 DNA 稀释液可保存于 2-8 °C。
-  若 DNA 稀释液中有析出，建议于 37 °C 条件下进行孵育。
-  标准曲线浓度点可根据实际验证结果选择，应至少有 5 个浓度点。

❖ 阴性质控 NCS 的制备

1. 取 100 μL DNA 稀释液加入 1.5 mL 干净的离心管中，标记为阴性质控 NCS。
 阴性质控 NCS 和同批待测样品一起进行样品前处理，制备成阴性质控 NCS 纯化液。

❖ qPCR 反应液 (qPCR MIX) 的制备

1. 根据所要检测的标准曲线及待测样品数量, 计算所需反应孔数, 一般做 3 个重复孔/样。

反应孔数 = (5 个浓度梯度的标准曲线 + 1 个无模板对照 NTC + 1 个阴性质控 NCS + 待测样品) × 3

2. 根据反应孔数计算本次所需的 qPCR MIX 总量 (含有 2 孔的损失量):

 $\text{qPCR MIX} = (\text{反应孔数} + 2) \times 20 \mu\text{L}$

3. 各试剂放在冰上或 2-8 °C 条件下融化, 并参考表 3、4、5 所示准备对应扩增片段的 qPCR MIX:

 为了满足同步进行三个不同扩增长度的片段分析检测需求, 样品前处理中的 DNA 洗脱体积需要 ≥ 120 μL。

表 3. qPCR MIX-118 配制表

组分	单孔反应
qPCR Reaction Buffer	15.9 μL
PG13 Primer & Probe MIX-118	2.8 μL
IPC MIX	1.3 μL
总体积	20 μL

表 4. qPCR MIX-212 配制表

组分	单孔反应
qPCR Reaction Buffer	15.9 μL
PG13 Primer & Probe MIX-212	2.8 μL
IPC MIX	1.3 μL
总体积	20 μL

表 5. qPCR MIX-502 配制表

组分	单孔反应
qPCR Reaction Buffer	15.9 μL
PG13 Primer & Probe MIX-502	2.8 μL
IPC MIX	1.3 μL
总体积	20 μL

❖ 加样

1. 各试剂置于冰上或 2-8 °C 条件, 轻微振荡混匀, 选择对应扩增片段参考表 6、7、8 所示加样:

表 6. MIX-118 各反应孔加样示例

ST-118	20 μ L qPCR MIX-118 + 10 μ L ST1/ST2/ST3/ST4/ST5
NTC	20 μ L qPCR MIX-118 + 10 μ L DNA 稀释液
NCS	20 μ L qPCR MIX-118 + 10 μ L 阴性质控 NCS 纯化液
待测样品	20 μ L qPCR MIX-118 + 10 μ L 待测样品纯化液

表 7. MIX-212 各反应孔加样示例

ST-212	20 μ L qPCR MIX-212 + 10 μ L ST1/ST2/ST3/ST4/ST5
NTC	20 μ L qPCR MIX-212 + 10 μ L DNA 稀释液
NCS	20 μ L qPCR MIX-212 + 10 μ L 阴性质控 NCS 纯化液
待测样品	20 μ L qPCR MIX-212 + 10 μ L 待测样品纯化液

表 8. MIX-502 各反应孔加样示例

ST-502	20 μ L qPCR MIX-502 + 10 μ L ST1/ST2/ST3/ST4/ST5
NTC	20 μ L qPCR MIX-502 + 10 μ L DNA 稀释液
NCS	20 μ L qPCR MIX-502 + 10 μ L 阴性质控 NCS 纯化液
待测样品	20 μ L qPCR MIX-502 + 10 μ L 待测样品纯化液

 加样完成后每孔总体积为 30 μ L。

表 9. 96 孔板排版示例

板 1:

MIX-118						MIX-212						
NTC	NTC	NTC	NCS	NCS	NCS	NTC	NTC	NTC	NCS	NCS	NCS	A
												B
												C
ST5	ST5	ST5	S1	S1	S1	ST5	ST5	ST5	S1	S1	S1	D
ST4	ST4	ST4	S2	S2	S2	ST4	ST4	ST4	S2	S2	S2	E
ST3	ST3	ST3	S3	S3	S3	ST3	ST3	ST3	S3	S3	S3	F
ST2	ST2	ST2	S4	S4	S4	ST2	ST2	ST2	S4	S4	S4	G
ST1	ST1	ST1				ST1	ST1	ST1				H
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	

板 2:

MIX-502												
NTC	NTC	NTC	NCS	NCS	NCS							A
												B
												C
ST5	ST5	ST5	S1	S1	S1							D
ST4	ST4	ST4	S2	S2	S2							E
ST3	ST3	ST3	S3	S3	S3							F
ST2	ST2	ST2	S4	S4	S4							G
ST1	ST1	ST1										H
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	

该示例表示的是检测各浓度梯度的 DNA 标准曲线、1 个无模板对照 NTC、4 个待测样品、1 个阴性质控样品 NCS。每个检测做 3 个重复孔。

板 1 的 1-3 列为 qPCR MIX-118 各浓度梯度的 DNA 标准曲线和 1 个无模板对照 NTC, 4-6 列为 qPCR MIX-118 的样品和 1 个阴性质控 NCS, 7-9 列为 qPCR MIX-212 各浓度梯度的 DNA 标准曲线和 1 个无模板对照 NTC, 10-12 列为 qPCR MIX-212 的样品和 1 个阴性质控 NCS;

板 2 的 1-3 列为 qPCR MIX-502 各浓度梯度的 DNA 标准曲线和 1 个无模板对照 NTC, 4-6 列为 qPCR MIX-502 的样品和 1 个阴性质控 NCS。

实际检测时可根据样品多少, 参照此示例进行 96 孔板排版加样。

2. 将 96 孔板用光学膜封闭, 轻微震荡混匀, 短时间快速离心 10 s 后放入 qPCR 仪。

❖ qPCR 程序设置

✧ SHENTEK-96S 实时荧光 PCR 检测系统、软件版本 8.2.2 为例。

1. 点击“实验向导”。

2. “孔板编辑”页面中选择检测 PG13 SIZE-118 反应孔, 选择步骤 2 项目中的“PG13 SIZE-118”程序; 选择检测 PG13 SIZE-212 反应孔, 选择步骤 2 项目中的“PG13 SIZE-212”程序; 选择检测 PG13 SIZE-502 反应孔, 选择步骤 2 项目中的“PG13 SIZE-502”程序。

3. “实验运行”页面中点击“开始”运行程序。

✧ 其他定量 PCR 系统程序设置如下:

1. 创建空白新程序, 选择绝对定量检测模板。

2. 三组 qPCR MIX 创建新检测探针, 分别为命名为 PG13 SIZE-118、PG13 SIZE-212、

PG13 SIZE-502, 选择报告荧光基团为 FAM, 猝灭荧光基团为 none (如有); 创建新检测探针, 命名为 IPC, 选择报告荧光基团为 VIC, 猝灭荧光基团为 none (如有); 检测参比荧光为 ROX (可选)。

3. 设置三步法反应程序: 95 °C 预变性 10 min; 95 °C 15 s, 60 °C 30 s, 72 °C 1 min 30 s (读取荧光), 40 个循环; 反应体积 30 µL。

 各实验室可根据所用机型设置合理的反应程序。

❖ qPCR 结果分析

✧ 以 SHENTEK-96S 实时荧光 PCR 检测系统、软件版本 8.2.2 为例。

1. “孔板编辑”页面中步骤 3: 定义反应孔, 将标准曲线孔的样品类型一栏设置为标准品, 并且在样品赋值一栏分别赋值为 300、30、3、0.3、0.03 (含义为每孔的模板浓度, 单位为 pg/µL), 并且在相应的样品名称一栏中命名为 ST1、ST2、ST3、ST4、ST5。

2. 在孔板编辑面板中, 将无模板对照 NTC 孔的样品类型一栏设置为无模板对照, 将阴性质控 NCS 孔、待测样品孔的样品类型一栏设置为待测样品, 并且在相应的样品名称一栏中命名为 NTC、NCS、S1、S2、S3、S4。

3. 在“实验分析”页面点击 , 可读取各标准曲线的斜率、截距、相关系数和扩增效率。

4. 在“反应孔信息表中”可读取无模板对照 NTC、阴性质控 NCS、待测样品的检测值, 单位为 pg/µL。

5. 以 MIX-118 的待测样品检测值为 100%, 计算 MIX-212、MIX-502 的待测样品百分比。

✧ 以 7500 Real-Time PCR System、软件版本 2.4 为例。

1. 在 Setup 的 Plate Setup 面板的 Define Targets and Samples 模块和 Assign Targets and Samples 模块中, 将标准曲线孔的 Task 一栏设置为 Standard, 并且在 Quantity 一栏分别赋值为 300、30、3、0.3、0.03 (含义为每孔的模板浓度, 单位为 pg/µL), 并且在相应的 Sample Name 一栏中命名为 ST1、ST2、ST3、ST4、ST5。

2. 在 Setup 的 Plate Setup 面板的 Define Targets and Samples 模块和 Assign Targets and Samples 模块中, 将无模板对照 NTC 孔的 Task 一栏设置为 NTC, 将阴性质控 NCS 孔、待测样品孔的 Task 一栏设置为 Unknown, 并且在相应的 Sample Name 一栏中命名为 NTC、NCS、S1、S2、S3、S4。

3. 在 Analysis 的 Amplification Plot 面板中, 将 FAM 信号的 Threshold 设置为 0.1, VIC 信号的 Threshold 设置为 0.1, 两种信号均为 Auto Baseline, 点击 Analyze。

4. 在 Analysis 的 Standard Curve 面板中, 可读取各标准曲线的斜率 (Slope)、截距 (Inter)、 R^2 和扩增效率 (Eff%)。
 5. 在 Analysis 的 View Well Table 面板中, Quantity 和 Quantity Mean 一栏可读取无模板对照 NTC、阴性质控 NCS、待测样品的检测值, 单位为 pg/ μ L。
 6. 以 MIX-118 的待测样品检测值为 100%, 计算 MIX-212、MIX-502 的待测样品百分比。
 7. 分析加标回收率 (ERC)。一般要求 ERC 达到 50.0%-150.0%, 若 ERC 偏低, 则表明 DNA 的提取过程受到显著抑制, 需要优化样品处理方案。此外, 具体样品的 DNA 加标量设定在其无加标测试值的 2-10 倍为宜, 若比值与推荐值相比偏离较大, 则表明加标量不合理, 建议调整加标量。
 8. 分析 IPC 的 Ct 值。待测样品的 Ct-IPC 值与 NCS 的 Ct-IPC 值在 ± 1 个 Ct 值范围内, 若样品 Ct-IPC 值与 NCS Ct-IPC 值相比显著增大, 则表明样品中可能存在 PCR 反应的抑制因子。如同时测试加标样品, 则优先考虑样品回收率结果, IPC 结果作为参考。
 9. 阴性质控 NCS FAM 信号的 Ct 均值大于标曲最低浓度 FAM 信号 Ct 均值或扩增曲线无明显起峰, VIC 信号为有效的“S”型扩增曲线, 若经验证的定量限浓度低于标曲最低浓度, 则 NCS 的检测值应小于定量限浓度。
 10. 无模板对照 NTC 的检测结果应为 Undetermined 或 Ct 值 ≥ 35.00 , VIC 信号为有效的“S”型扩增曲线。
- ✚ 上述示例结果分析的参数设置仅供参考, 具体需依据实验室机型及使用的软件版本进行设定, 一般也可由仪器自动判读。

生效日期: 2023 年 04 月 14 日

服务支持



湖州申科生物技术股份有限公司

www.shenkebio.com

地址: 浙江省湖州市红丰路 1366 号 6 号楼

Email: Info@shenkebio.com

电话: 0572-2165910